

---

# Anfrage-Sprachen

## Teil 1

Viele Folien in diesem Abschnitt sind eine deutsche Übersetzung der Folien von Raymond J. Mooney (<http://www.cs.utexas.edu/users/mooney/ir-course/>). Ein weiterer großer Anteil wurde mit freundlicher Genehmigung von Peter Becker übernommen (<http://www2.inf.fh-rhein-sieg.de/~pbecke2m/retrieval/>).

# Boolesche Anfragen

---

- Schlüsselworte kombiniert mit Booleschen Operatoren:
  - ODER:  $(e_1 \text{ OR } e_2)$
  - UND:  $(e_1 \text{ AND } e_2)$
  - ABER:  $(e_1 \text{ BUT } e_2)$  erfüllt  $e_1$  aber **nicht**  $e_2$
- Negation nur eingeschränkt als ABER erlaubt, um den invertierten Index nutzen zu können: effektives Bearbeiten von  $e_1$  durch inv. Index, dann Filtern der Ergebnisse.
- Problem: Untrainierte Anwender haben Probleme mit Boolescher Logik.

# Boolsche Retrieval mit invertierten Indizes

---

- **Einzelnes Schlüsselwort:** Finde die gesuchten Dokumente durch Verwendung des invertierten Index.
- **ODER:** Finde auf rekursive Weise  $e_1$  und  $e_2$  bilde die Vereinigung der Ergebnisse.
- **UND:** Finde auf rekursive Weise  $e_1$  und  $e_2$  und bilde den Durchschnitt der Ergebnisse.
- **ABER:** Finde auf rekursive Weise  $e_1$  und  $e_2$  und bilde die Mengendifferenz der Ergebnisse.

# “Natürlichsprachige” Anfragen

---

- Volltext-Anfragen als beliebige Strings.
- Typischerweise werden sie nur wie ein “bag of words” im Vektorraum-Modell behandelt und mit Standard-Vektor-Retrieval-Methoden verarbeitet.

# Phrasen-Anfragen

---

- Findet Dokumente, die spezifische Phrasen (geordnete Listen zusammenhängender Wörter) enthalten
  - “information theory”
- Kann intervenierende Stopworte und/oder Stemming zulassen.
  - “buy camera” matches:  
“buy a camera”  
“buying the cameras”  
etc.

# Phrasen-Retrieval mit invertierten Indizes

---

- Muss einen invertierten Index verwenden, der auch die *Positionen* der Schlüsselworte in den Dokumenten speichert.
- Finde Dokumente und Positionen für jedes individuelle Wort, bilde Durchschnitt der Treffermengen, und prüfe abschließend auf den richtigen Zusammenhang der Schlüsselwort-Positionen.
- Am besten beginnt man die Prüfung der Zusammenhänge mit dem am wenigsten häufigen Wort in der Phrase.

# Phrasensuche

---

Aufgabe: Finde die Menge  $D$  von Dokumenten, bei denen alle Schlüsselworte  $(k_1 \dots k_m)$  in einer Phrase vorkommen (verwende UND-Anfrageverarbeitung).

Initialisiere eine leere Menge,  $R$ , von gefundenen Dokumenten.

Für jedes Dokument  $d$  in  $D$ :

Suche für jedes  $k_i$  die Folge der Positionen  $P_i$  der Vorkommen in  $d$

Bestimme die kürzeste Folge  $P_s$  der  $P_i$ 's

Für jede Position  $p$  des Schlüsselworts  $k_s$  in  $P_s$

Für jedes Schlüsselwort  $k_i$  außer  $k_s$

Verwende die binäre Suche, um eine Position  $(p - s + i)$  in der Folge  $P_i$  zu finden.

Falls für jedes Schlüsselwort die korrekte Position gefunden wurde, füge  $d$  zu  $R$  hinzu

Gib  $R$  aus.

# Näherungsanfragen

---

- Liste von Termen mit zusätzlichen maximalen Abstandsbeschränkungen zwischen den Termen.
- Beispiel: “dogs” und “race” in 4 Worten passt zu “...dogs will begin the race...”
- Man kann zusätzlich Stemming verwenden und/oder Stopwörter ignorieren.

# Näherungs-Retrieval mit invertiertem Index

---

- Benutze Ansatz ähnlich wie bei Phrasensuche, um alle Dokumente zu finden, die die Schlüsselwörter enthalten.
- Finde bei der binären Suche nach den Positionen der verbleibenden Schlüsselwörter die nächste Position von  $k_i$  nach  $p$  und überprüfe, dass diese innerhalb des maximal zulässigen Abstands ist.

# String-Matching

---

- Erlaubt allgemeinere Stringvergleiche in Anfragen, während der vorher diskutierte Ansatz die Worte als atomare Einheiten (Tokens) betrachtet.
- Erfordert für effiziente Bearbeitung komplexere Datenstrukturen und Algorithmen als invertierte Indizes.

# String Matching

---

- Die Suche von einem Muster in einem Text wird auch als *String Matching* oder *Pattern Matching* bezeichnet.
- Generell besteht die Aufgabe darin, einen String (das *Muster, Pattern*) der Länge  $m$  in einem Text der Länge  $n$  zu finden, wobei  $n > m$  gilt.
- Je nach Freiheitsgraden bei der Suche unterscheidet man verschiedene Arten von String-Matching-Problemen.

# Arten von String-Matching-Problemen

---

- **Exaktes String-Matching:** Wo tritt ein String *pat* in einem Text *text* auf? Beispiel: `fgrep`
- **Matching von Wortmengen:** Gegeben sei eine Menge *S* von Strings. Wo tritt in einem Text ein String aus *S* auf? Beispiel: `agrep`
- **Matching regulärer Ausdrücke:** Welche Stellen in einem Text passen auf einen regulären Ausdruck? Beispiel: `grep`, `egrep`
- **Approximatives String-Matching:** Welche Stellen in einem Text passen am besten auf ein Muster (Best-Match-Anfrage)?

# Arten von String-Matching-Problemen

---

- Welche Stellen in einem Text stimmen mit einem Muster bis auf  $d$  Fehler überein (Distance-Match-Anfrage)? Beispiel: agrep
- **Editierdistanz:** Wie kann man am “günstigsten” einen String  $s$  in einen String  $t$  überführen? Beispiel: diff

# Einfache Strukturen

---

- **Prefix**: Struktur, die zum Wortanfang passt.
  - “anti” passt zu “antiquity”, “antibody”, etc.
- **Suffix**: Struktur, die zum Wortende passt:
  - “ix” passt zu “fix”, “matrix”, etc.
- **Substring**: Struktur, die zu einer willkürlichen Teilfolge von Zeichen passt.
  - “rapt” passt zu “enrapture”, “velociraptor” etc.
- **Range**: Stringpaar, das zu jedem Wort passt, das lexikographisch (alphabetisch) dazwischen liegt.
  - “tin” to “tix” passt zu “tip”, “tire”, “title”, etc.

# Anwendungen

---

- Wo braucht man String-Matching-Verfahren? Z.B.:
  - Volltextdatenbanken
  - Retrievalsysteme
  - Suchmaschinen
  - Bioinformatik
- In diesem Abschnitt lernen wir effiziente Algorithmen für String-Matching kennen.

# Bezeichnungen

---

- Ein *Alphabet* ist eine endliche Menge  $\Sigma$  von Symbolen.  $|\Sigma|$  bezeichnet die Kardinalität von  $\Sigma$ .
- Ein *String* (*Zeichenkette*, *Wort*)  $s$  über einem Alphabet ist eine endliche Folge von Symbolen aus  $\Sigma$ .  $|s|$  bezeichnet die *Länge* von  $s$ .
- $\varepsilon$  bezeichnet den *leeren String*.
- Wenn  $x$  und  $y$  Strings sind, dann bezeichnet  $xy$  die *Konkatenation* von  $x$  und  $y$ .

# Bezeichnungen

---

- $s[i]$  bezeichnet das  $i$ -te Element eines Strings  $s$  ( $1 \leq i \leq |s|$ ).
- $s[i...j]$  bezeichnet den String  $s[i]s[i+1]...s[j]$ . Für  $i > j$  gelte
- $s[i...j] = \varepsilon$ .
- Für einen String  $s$  (mit  $m = |s|$ ) bezeichnet  $s^{-1}$  die *Umkehrung*
- $s[m]s[m-1]...s[1]$  von  $s$ .
- Für zwei Strings  $x$  und  $y$  gilt  $x = y$  genau dann, wenn  $|x| = |y| = m$
- und  $x[i] = y[i]$  für alle  $1 \leq i \leq m$  gilt.
- Wenn  $w = xyz$  ein String ist, dann ist  $x$  ein *Präfix* und  $z$  ein *Suffix*
- von  $w$ .
- Gilt  $w \neq x$  ( $w \neq z$ ), dann ist  $x$  ( $z$ ) ein *echter Präfix* (*echter Suffix*) von  $w$ .

- 
- Ein String  $x$  (mit  $m = |x|$ ) heißt *Substring* (*Faktor*) von  $y$ , wenn ein  $i$  existiert mit  $x = y[i..i+m-1]$ . Andere Sprechweisen:  $x$  tritt in  $y$  an Position  $i$  auf bzw. Position  $i$  ist ein *Match* für  $x$  in  $y$ .
  - $x$  (mit  $m = |x|$ ) heißt *Subsequenz* von  $y$ , wenn Positionen  $i_1 < i_2 < \dots < i_m$  existieren mit  $x = y[i_1]y[i_2]\dots y[i_m]$ .

# Exaktes String-Matching

---

- **Problem 6.1. [Exaktes String-Matching]**  
Gegeben sind die Strings  $pat$  und  $text$ .
  - (a) Man bestimme, ob  $pat$  ein Substring von  $text$  ist.
  - (b) Man bestimme die Menge aller Positionen, an denen  $pat$  in  $text$  auftritt. Diese Menge wird mit  $MATCH(pat; text)$  bezeichnet.
- Im folgenden wird nur die Variante (a) von Problem 6.1 betrachtet.
- Algorithmen für die Variante (b) erhält man durch einfache Modifikationen der Algorithmen für (a).
- Im folgenden sei  $m = |pat|$  und  $n = |text|$ .

# Naiver Ansatz

---

- Der naive Ansatz besteht darin, für jede Position von *text* (bzw. solange *pat* ab der aktuellen Position in *text* passt) von neuem zu testen, ob *pat* an dieser Position auftritt.
- Das allgemeine Schema für solch einen naiven Algorithmus lautet:
- **for**  $i := 1$  **to**  $n-m+1$  **do**  
    man prüfe, ob  $pat = text[i\dots i+m-1]$  gilt
- Die Prüfung kann nun “von links nach rechts” oder “von rechts nach links” erfolgen.
- Dies führt zu unterschiedlichen naiven Algorithmen und darauf aufbauend zu unterschiedlichen Ansätzen der Verbesserung:
  - „von links nach rechts“ → Algorithmus von Morris und Pratt
  - „von rechts nach links“ → Algorithmus von Boyer und Moore
- Wir betrachten hier nur die zweite Variante.

# Der Algorithmus von Boyer und Moore

---

- Der Algorithmus von Boyer und Moore kann als eine verbesserte Variante eines naiven String-Matching-Algorithmus angesehen werden, bei dem *pat* mit *text* von rechts nach links verglichen wird.

- **Algorithmus 6.1 [naives String-Matching von rechts nach links]**

*i* := 1

**while** *i* ≤ *n* - *m* + 1 **do**

*j* := *m*

**while** *j* ≥ 1 **and** *pat*[*j*] = *text*[*i* + *j* - 1] **do** *j* := *j* - 1 **end**

**if** *j* = 0 **then return true**

*i* := *i* + 1

**end**

**return false**

# Analyse des naiven Algorithmus

---

- **Satz 6.1.** *Der naive Algorithmus 6.1 löst Problem 6.1 in Zeit  $O(nm)$  und Platz  $O(m)$ .*
- Für  $pat = ba^{m-1}$  und  $text = a^n$  benötigt Algorithmus 6.1  $(n-m+1)m = nm - m^2 + m$  Zeichenvergleiche (Worst Case).
- Bei einem binären Alphabet und zufällig erzeugten  $pat$  und  $text$  (jedes Zeichen unabhängig und jedes Symbol mit Wahrscheinlichkeit  $1/2$ ) ergibt sich für die durchschnittliche Anzahl an Zeichenvergleichen:  
 $(2-2^{-m})n + O(1)$

# Analyse des naiven Algorithmus

---

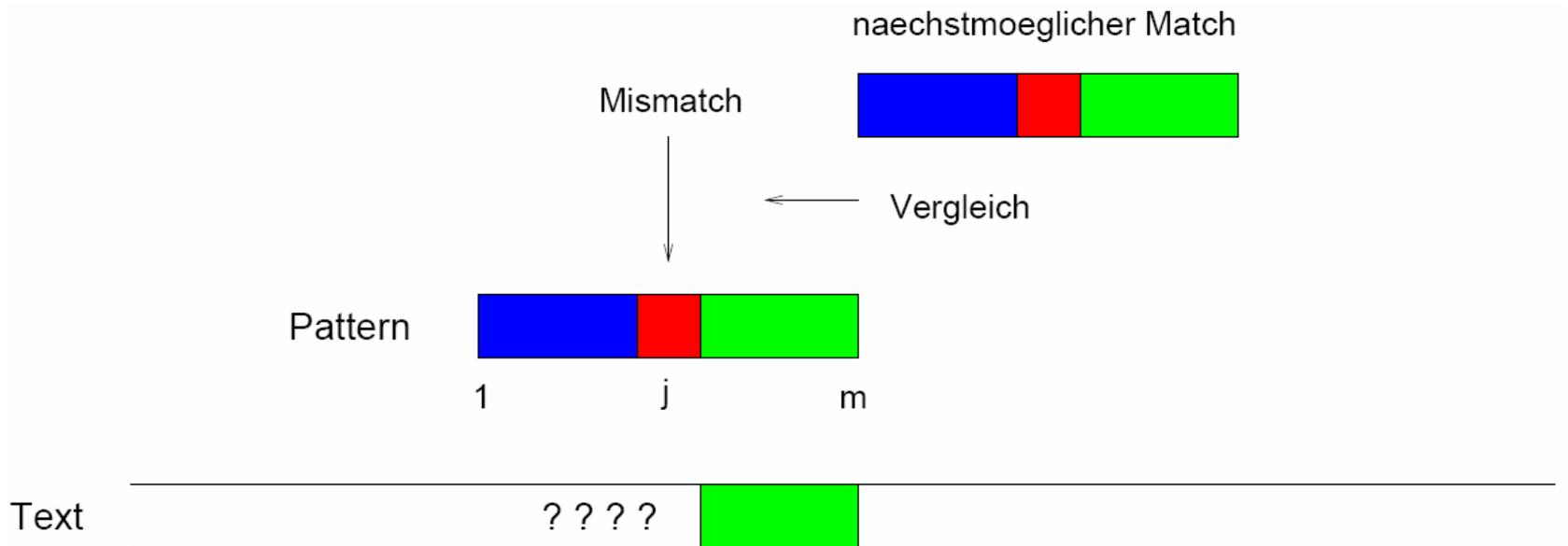
- Trotz der im Durchschnitt linearen Laufzeit lohnt sich der Einsatz von “besseren” String-Matching-Algorithmen, denn:
  - die nachfolgenden String-Matching-Algorithmen haben sich nicht nur in der Theorie, sondern auch in der Praxis als erheblich effizienter erwiesen, und
  - die Realität gehorcht nicht immer den Gesetzen der Wahrscheinlichkeitstheorie.

# Der Algorithmus von Boyer und Moore

---

- Der Algorithmus von Boyer und Moore basiert auf der folgenden Überlegung:
- Tritt in Algorithmus 1.6 an Stelle  $j$  ein Mismatch auf und kommt  $pat[j+1..m]$  nicht ein weiteres mal in  $pat$  als Substring vor, so kann  $pat$  gleich um  $m$  Zeichen nach rechts verschoben werden.
- Vergleicht man dagegen von links nach rechts, kann  $pat$  nach einem Mismatch an Position  $j$  nie um mehr als  $j$  Positionen nach rechts verschoben werden. (Dies ist das Prinzip des Algorithmus von Morris und Pratt).

# Veranschaulichung



- 
- Kommt es in Algorithmus 6.1 an Stelle  $j$  von  $pat$  zu einem Mismatch, so gilt

$$pat[j+1...m] = text[i+j \dots i+m-1] \text{ und} \\ pat[j] \neq text[i+j-1].$$

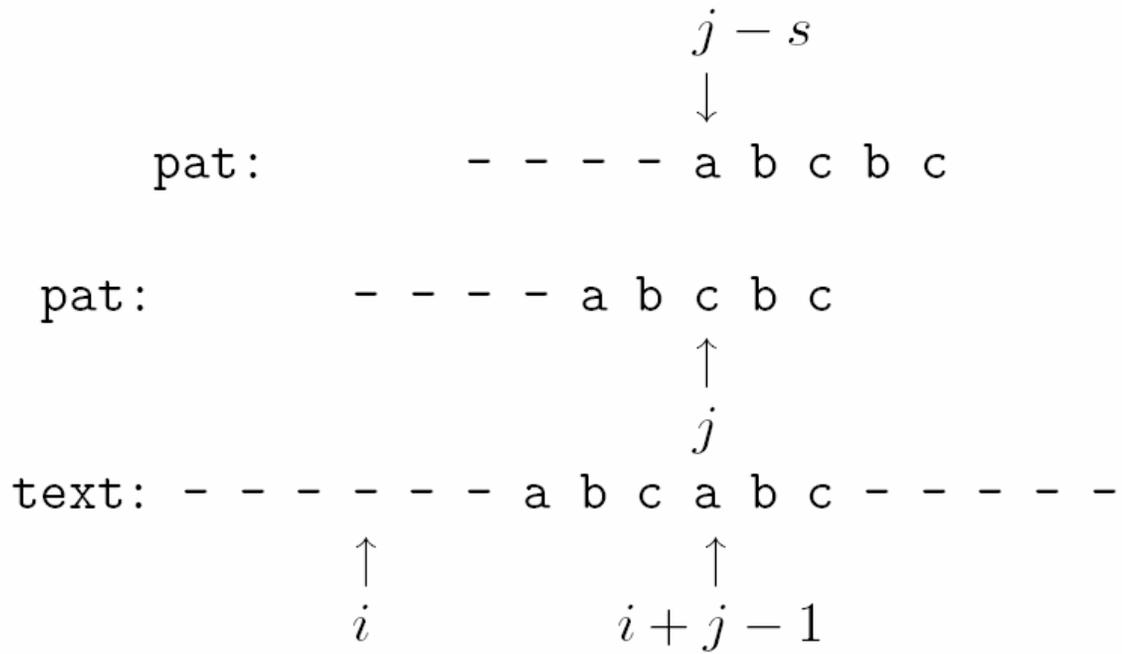
- Dies kann wie folgt ausgenutzt werden:  
Angenommen,  $pat$  tritt in  $text$  an einer Position  $i+s$  mit  $i < i+s < i+m$  auf. Dann müssen die beiden folgenden Bedingungen gelten:

$$(BM1) \quad \forall j < k \leq m: k \leq s \vee pat[k-s] = pat[k]$$

$$(BM2) \quad s < j \Rightarrow pat[j-s] \neq pat[j]$$

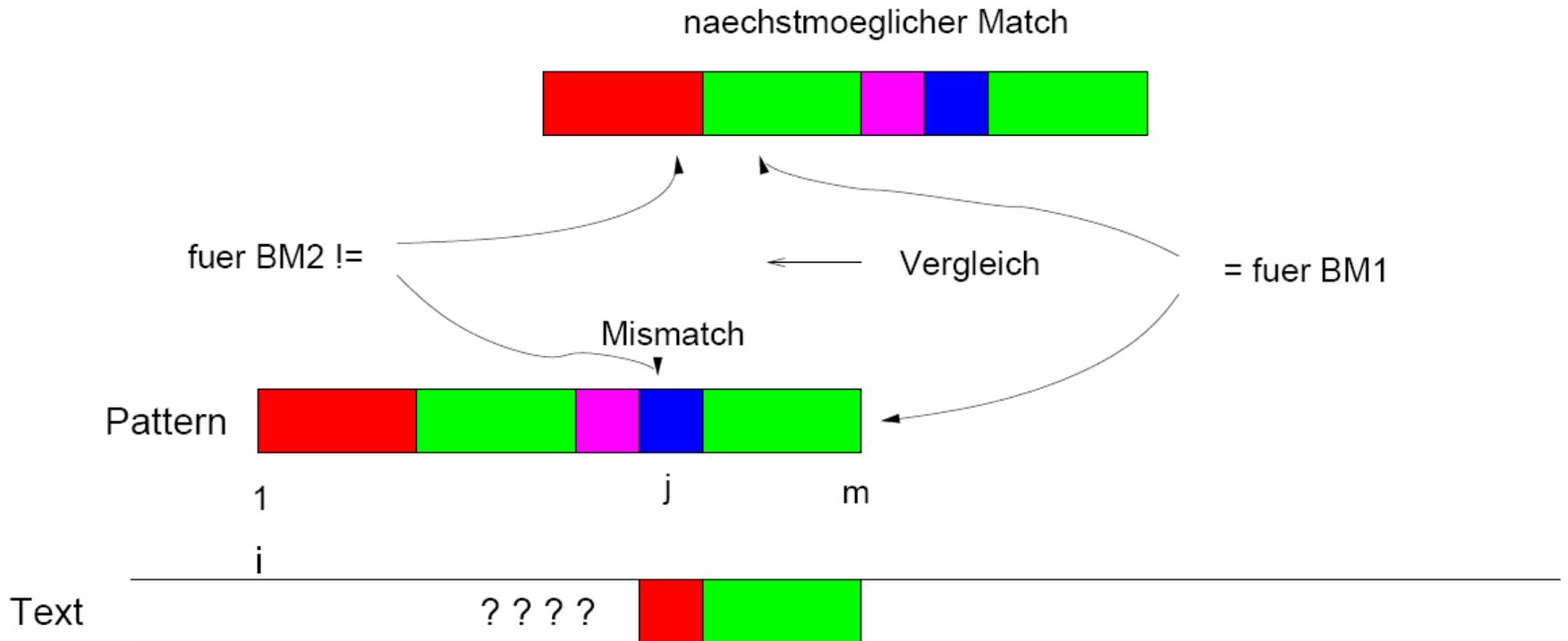
# Veranschaulichung

---



Damit man keinen Match verpasst, muss  $s$  möglichst klein gewählt werden.

# Veranschaulichung



Wdh.: Angenommen, es gibt einen Mismatch an Stelle  $j$  von  $pat$ , und  $pat$  tritt in  $text$  an einer Position  $i+s$  mit  $i < i+s < i+m$  auf. Dann gelten die beiden folgenden Bedingungen:

$$(BM1) \quad \forall j < k \leq m: k \leq s \vee pat[k-s] = pat[k]$$

$$(BM2) \quad s < j \rightarrow pat[j-s] \neq pat[j]$$